

## **Esercizio Esame 31/1/2005 (turno unico)**

Scrivere un programma "Catalogazione stringhe proteiche".

Ogni record deve contenere le seguenti informazioni:

Elenco (in ordine alfabetico) degli amminoacidi utilizzati;

Per ogni amminoacido il numero di volte che compare;

La sequenza effettiva degli amminoacidi presenti.

Il programma deve gestire i comandi descritti nel seguito del testo.

### **LEGGI**

Il programma richiederà il nome del file (ogni file potrà contenere 0 o più record), ne leggerà i dati e li inserirà nello stato corrente. (Deve essere possibile effettuare una lettura in qualsiasi momento, intercalata in modo qualunque con altri comandi).

### **STAMPA**

Il programma stamperà l'intero elenco dei record in memoria ordinati alfabeticamente per sequenza effettiva degli amminoacidi presenti.

### ***Formato del File di Input***

File di testo, un campo per linea. Numero dei campi variabile e rispondente all'effettiva sequenza:

*BEGIN*

*<Amminoacido>*

*[ulteriore amminoacido]*

*END*